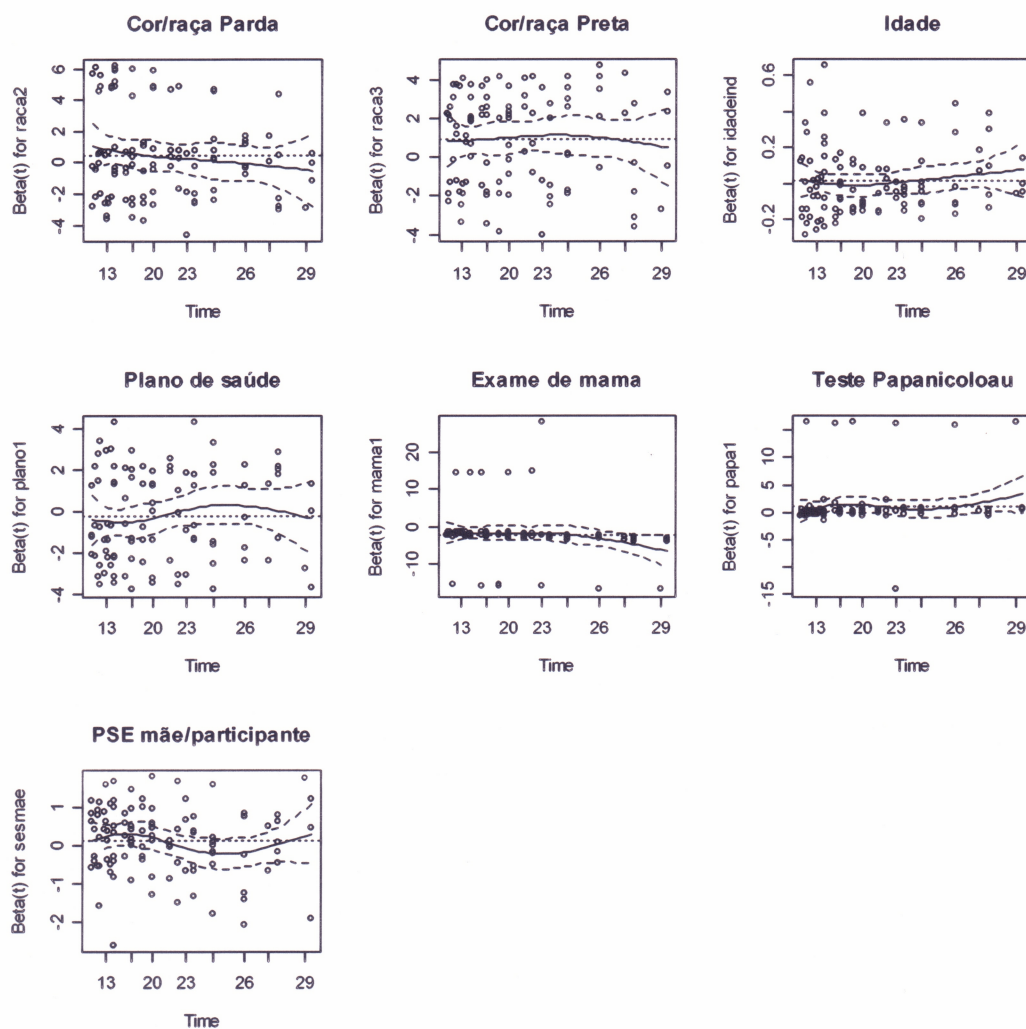
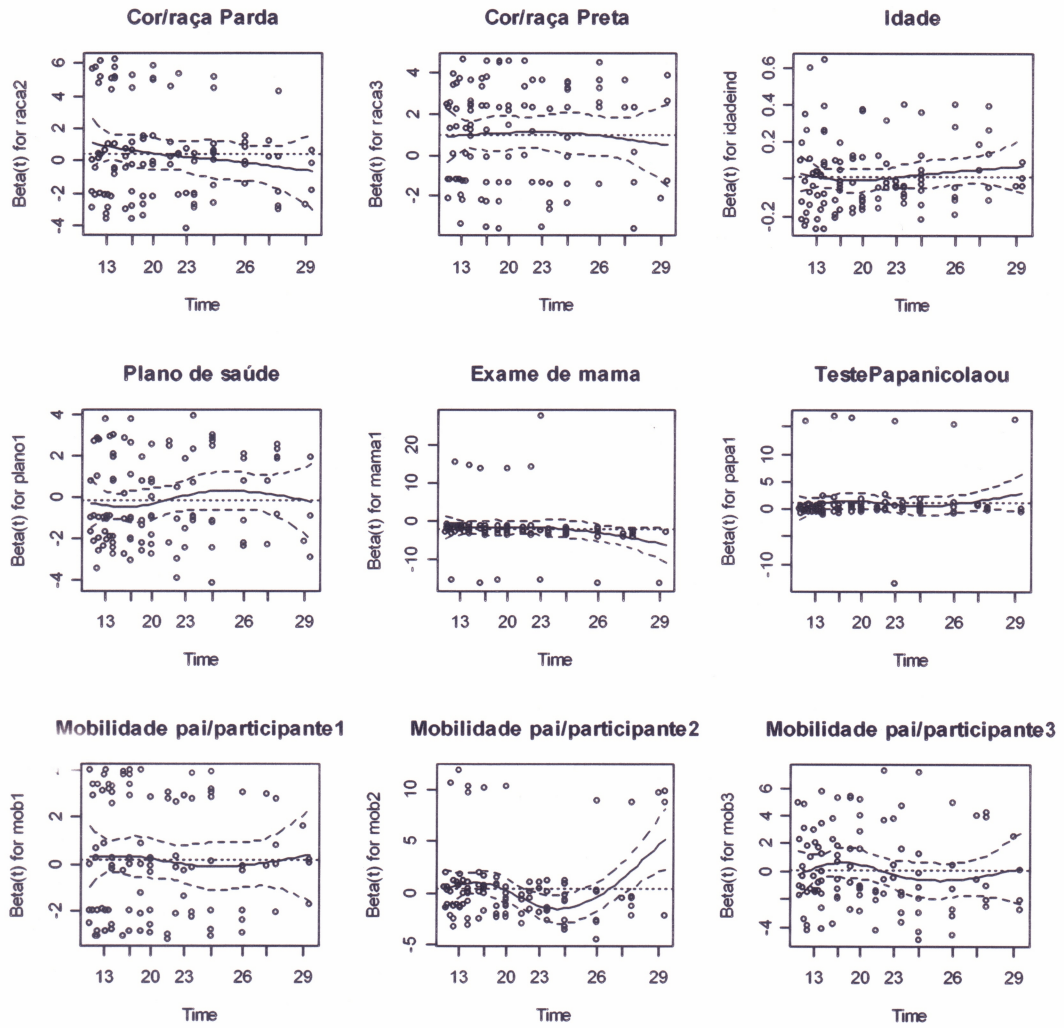


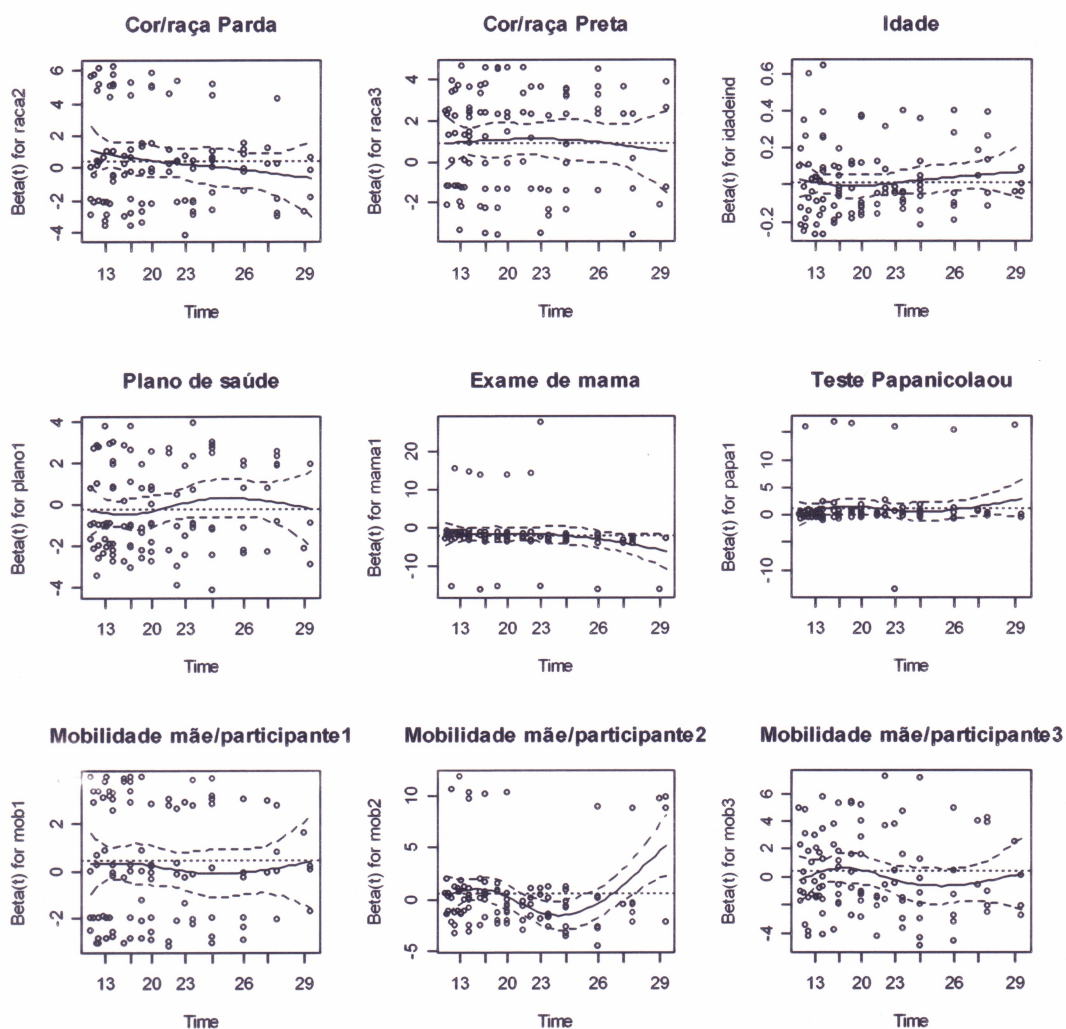
Modelo 5 - ajustado por idade, variáveis de acesso e PSE cumulativa (mãe - participante)



Modelo 6 - ajustado por idade, variáveis de acesso e mobilidade social (pai - participante)



Modelo 7 - ajustado por idade, variáveis de acesso e mobilidade social (mãe - participante)



APÊNDICE C - Scripts dos artigos no R

SCRIPT DO ARTIGO 1

###Banco de participantes da linha de base (1999 e 2001) (n=1819).

###O banco original estava no formato csv2 (Excel) e recebeu o nome de mioma.

#####Construção das variáveis#####
#####Desfechos#####

##Desfecho 1

#Diagnóstico médico de mioma uterino auto-relatado.

#Nome da variável nas análises= mio

#Categorias= não=0, sim=1

tab1(m14)

#Excluindo do banco as linhas referentes aos Nas da variável m14 (n=86)

detach(mioma)

mioma <- mioma[!is.na(mioma\$m14),]

dim(mioma)

attach(mioma)

mio<-ifelse(m14==2,0,ifelse(m14==1,1,NA))

tab1(mio)

mio<-ifelse(m14==2,0,ifelse(m14==1,1,NA))

tab1(mio)

#Prevalência de mioma uterino com intervalo de confiança (IC95%)

prevMU <- binconf(sum(!is.na(mio[mio==1])), sum(!is.na(mio)), method="exact")*100

prevMU

##Desfecho 2

#Mioma uterino com sintomas prévios ao diagnóstico

#Nome da variável para as análises= sinto

#Categorias= não=0, sim=1

tab1(m16)

sinto<-ifelse(is.na(m16),0,ifelse(m16a==1,1,NA))

tab1(sinto)

#Prevalência de mioma uterino com sintomas prévios ao diagnóstico com intervalo de confiança (IC95%)

prevSINTO <- binconf(sum(!is.na(sinto[sinto==1])), sum(!is.na(sinto)), method="exact")*100

prevSINTO

##Desfecho 3

#Histerectomia por mioma uterino

#Nome da variável para as análises= hi

#Categorias= não=0, sim=1

m18<-ifelse(m18>2,NA,m18) ##excluindo NAs

hi<-ifelse(m14==2,0,ifelse(m14==1&m18==1,1,NA))

tab1(hi)

#Prevalência de histerectomia por mioma uterino com intervalo de confiança (IC95%)

prevHIST <- binconf(sum(!is.na(hi[hi==1])), sum(!is.na(hi)), method="exact")*100

prevHIST

#####Variáveis sócio-econômicas e demográficas#####

##Idade categorizada

##Nome da variável nas análises= idadecat

##Categorias= menos que 35 anos= 0, 35 a 44= 1, 45 a 54= 2, mais de 54 anos= 3

summary(idadeind)

idadecat<-

ifelse(idadeind<35,0,ifelse(idadeind>=35&idadeind<45,1,ifelse(idadeind>=45&idadeind<55,2,ifelse(idadeind>=55,3,NA))))

tab1(idadecat)

```

## Cor/raça
#Nome da variável nas análises= raca
#Categorias= branca=1, parda=2 e preta=3.
tab1(corecat)
raca<-ifelse(corecat==4,NA,corecat) ##excluindo NAs e a categoria amarela
tab1(raca)

##Escolaridade
#Nome da variável nas análises= esc
#Categorias= universitário completo= 0, 2º grau completo= 1,até 1º grau completo= 2
tab1(e35)
e35<-ifelse(e35>7,NA,e35) ##excluindo os NAs
tab1(e35)
esc<-ifelse(e35<4,2,ifelse(e35>=4&e35<6,1,ifelse(e35>=6,0,NA)))
tab1(esc)

##Renda familiar per capita
#Nome da variável nas análises= rend
#categoria= mais que 6SM= 0, 3 a 6 SM= 1, menos que 3SM= 2
tab1(e33)
e33<-ifelse(e33>9,NA,e33)##excluindo NAs
tab1(e33)
#Mediana de cada categoria
renda<-ifelse(e33==1,250,ifelse(e33==2,750,ifelse(e33==3,1250,ifelse(e33==4,
1750,ifelse(e33==5,2250,ifelse(e33==6,2750,ifelse(e33==7,3500,ifelse(e33==8,
4500,ifelse(e33==9,5500,NA))))))))))
tab1(renda)
#Verificando a variável e34 (número de pessoas que dependem da renda)
tab1(e34)
e34<-ifelse(e34>11,NA,e34)##excluindo NAs
tab1(e34)
#renda per capita familiar
rendap<-(renda/e34)
tab1(rendap)
#Renda per capita familiar em SM
rendapSM<-(rendap/136)
tab1(rendapSM)
#Renda per capita familiar nas três categorias
rend<-ifelse(rendapSM<3,2,ifelse(rendapSM>=3&rendapSM<=6,1,ifelse(rendapSM>6,
0,NA)))
tab1(rend)

#####Variáveis marcadoras de acesso e utilização de serviços de saúde#####
##Plano de saúde
#Nome da variável nas análises= plano
#Categorias= sim=0, não= 1
table(b1)
b1<-ifelse(b1>3,NA,b1) ##excluindo NAs
plano<-ifelse(b1<3,0,ifelse(b1==3,1,NA))
tab1(plano)

##Realização de teste Papanicolau
#Nome da variável nas análises= papa
#Categorias= realizou há menos de 3 anos= 0, nunca realizou/realizou há mais de 3 anos= 1
tab1(m7)
m7<-ifelse(m7>4,NA,m7)##excluindo NAs
papa<-ifelse(m7<3,1,ifelse(m7>=3,0,NA))
tab1(papa)

##Realização de exame de mama
#Nome da variável nas análises= mama
#Categorias= realizou há menos de 3 anos= 0, nunca realizou/realizou há mais de 3 anos= 1
tab1(m8)
m8<-ifelse(m8>4,NA,m8)##excluindo NAs
mama<-ifelse(m8<3,1,ifelse(m8>=3,0,NA))
tab1(mama)

```

#####Variáveis marcadoras de saúde reprodutiva#####

##Idade da menarca

#Nome da variável nas análises= mencat

#Categorias= menos de 12 anos= 1, 12 a 14 anos= 2 e mais de 14 anos= 3.

tab1(m1)

men<-ifelse(m1<8|m1>19,NA,m1) ##excluindo os NAs

tab1(men)

#Menarca categorizada

mencat<- ifelse(m1<=11,1,ifelse(m1>11&m1<=14,2,ifelse(m1>14,3,NA)))

tab1(mencat)

##Número de filhos

#Nome da variável nas análises= filho

#Categoria= Nenhum=0, 1=1, 2=2, 3 ou +=3

tab1(e22filho)

e22filho<-ifelse(e22filho>7,NA,e22filho) #excluindo NAs

filho<-ifelse(e22filho==0,0,ifelse(e22filho==1,1,ifelse(e22filho==2,2,ifelse(e22filho>=3,3,NA))))

tab1(filho)

##Contraceptivo oral

#Nome da variável nas análises= co

#Categorias= usa atualmente= 1, já utilizou= 2, nunca utilizou= 3

tab1(m10)

co<-ifelse(m10>3,NA,m10) ##excluindo NAs

tab1(co)

#####

#####Prevalência dos três desfechos por idade#####

#Prevalência de mioma uterino por idadecat

prev1 <- binconf(sum(!is.na(mio[mio==1&idadecat==0])), sum(!is.na(idadecat[idadecat==0])), method="exact")

prev2 <- binconf(sum(!is.na(mio[mio==1&idadecat==1])), sum(!is.na(idadecat[idadecat==1])), method="exact")

prev3 <- binconf(sum(!is.na(mio[mio==1&idadecat==2])), sum(!is.na(idadecat[idadecat==2])), method="exact")

prev4 <- binconf(sum(!is.na(mio[mio==1&idadecat==3])), sum(!is.na(idadecat[idadecat==3])), method="exact")

prevA <- rbind(prev1, prev2, prev3, prev4)*100

prevA

#Prevalência de mioma uterino com sintomas prévios ao diagnóstico por idadecat

prev5 <- binconf(sum(!is.na(sinto[sinto==1&idadecat==0])), sum(!is.na(idadecat[idadecat==0])), method="exact")

prev6 <- binconf(sum(!is.na(sinto[sinto==1&idadecat==1])), sum(!is.na(idadecat[idadecat==1])), method="exact")

prev7 <- binconf(sum(!is.na(sinto[sinto==1&idadecat==2])), sum(!is.na(idadecat[idadecat==2])), method="exact")

prev8 <- binconf(sum(!is.na(sinto[sinto==1&idadecat==3])), sum(!is.na(idadecat[idadecat==3])), method="exact")

prevB <- rbind(prev5, prev6, prev7, prev8)*100

prevB

#Prevalência de histerectomia por mioma uterino por idadecat

prev9 <- binconf(sum(!is.na(hi[hi==1&idadecat==0])), sum(!is.na(idadecat[idadecat==0])), method="exact")

prev10 <- binconf(sum(!is.na(hi[hi==1&idadecat==1])), sum(!is.na(idadecat[idadecat==1])), method="exact")

prev11 <- binconf(sum(!is.na(hi[hi==1&idadecat==2])), sum(!is.na(idadecat[idadecat==2])), method="exact")

prev12 <- binconf(sum(!is.na(hi[hi==1&idadecat==3])), sum(!is.na(idadecat[idadecat==3])), method="exact")

prevC <- rbind(prev9, prev10, prev11, prev12)*100

prevC

##Gráficos de barras das prevalências por idade para os três desfechos

bar <- barplot(prevA[,1], beside=T, names.arg=c("Menos que 35","35 - 44","45 - 54", "Acima de 54"),xlab="Anos",ylab="%",col="gray", xpd=FALSE, ylim=c(0,50))

arrows(bar, prevA[,3], bar, prevA[,2], angle=90, length=0.06, code=3)

title(main="Prevalência de diagnóstico médico de mioma uterino segundo idade")

bar1 <- barplot(prevB[,1], beside=T, names.arg=c("Menos que 35","35 - 44","45 - 54", "Acima de 54"),xlab="Anos",ylab="%",col="gray", xpd=FALSE, ylim=c(0,50))

arrows(bar1, prevB[,3], bar1, prevB[,2], angle=90, length=0.06, code=3)

```
title(main="Prevalência de mioma uterino com sintomas prévios ao diagnóstico segundo idade")
```

```
bar2 <- barplot(prevC[,1], beside=T, names.arg=c("Menos que 35","35 - 44","45 - 54", "Acima de 54"),xlab="Anos",ylab="%",col="gray", xpd=FALSE, ylim=c(0,50))
arrows(bar2, prevC[,3], bar2, prevC[,2], angle=90, length=0.06, code=3)
title(main="Prevalência de histerectomia por mioma uterino segundo idade")
```

```
#####
#####Prevalências de mioma uterino nos subgrupos e respectivos testes #####
```

#Idade

```
tabpct(mio,idadecat) #prevalência
chisq.test(mio,idadecat) #X2
```

#Cor/raça

```
tabpct(mio,raca)#prevalência
chisq.test(mio,raca) #X2
```

#Escolaridade

```
tabpct(mio,esc)#prevalência
chisq.test(mio,esc) #X2
```

#Renda per capita familiar

```
tabpct(mio,rend)#prevalência
chisq.test(mio,rend)#X2
```

#Plano de saúde

```
tabpct(mio,plano)#prevalência
chisq.test(mio,plano)#X2
```

#Teste Papanicolaou

```
tabpct(mio,papa)#prevalência
chisq.test(mio,papa)#X2
```

#Exame de mama

```
tabpct(mio,mama)#prevalência
chisq.test(mio,mama) #X2
```

#Idade da menarca

```
tabpct(mio,mencat)#prevalência
chisq.test(mio,mencat)#X2
```

#Número de filhos

```
tabpct(mio,filho)#prevalência
chisq.test(mio,filho)#X2
```

#Contraceptivo oral

```
tabpct(mio,co)#prevalência
chisq.test(mio,co)#X2
```

```
#####Prevalências mioma uterino com sintomas prévios ao diagnóstico nos#####
#####subgrupos e respectivos testes #####
```

#Idade

```
tabpct(sinto,idadecat) #prevalência
chisq.test(sinto,idadecat) #X2
```

#Cor/raça

```
tabpct(sinto,raca) #prevalência
chisq.test(sinto,raca) #X2
```

#Escolaridade

```
tabpct(sinto,esc) #prevalência
chisq.test(sinto,esc) #X2
```

#Renda per capita familiar

```
tabpct(sinto,rend) #prevalência
chisq.test(sinto,rend) #X2
```

#Plano de saúde

tabpct(sinto,plano) #prevalência
chisq.test(sinto,plano)#X2

#Teste Papanicolau

tabpct(sinto,papa) #prevalência
chisq.test(sinto,papa) #X2

#Exame de mama

tabpct(sinto,mama) #prevalência
chisq.test(sinto,mama) #X2

#Idade da menarca

tabpct(sinto,mencat) #prevalência
chisq.test(sinto,mencat) #X2

#Número de filhos

tabpct(sinto,filho) #prevalência
chisq.test(sinto,filho) #X2

#Contraceptivo oral

tabpct(sinto,co) #prevalência
chisq.test(sinto,co) #X2

#####Prevalências de histerectomia por mioma uterino nos subgrupos#####
e respectivos testes

#Idade

tabpct(hi,idadecat) #prevalência
chisq.test(hi,idadecat) #X2

#Cor/raça

tabpct(hi,raca) #prevalência
chisq.test(hi,raca) #X2

#Escolaridade

tabpct(hi,esc) #prevalência
chisq.test(hi,esc) #X2

#Renda familiar per capita

tabpct(hi,rend) #prevalência
chisq.test(hi,rend) #X2

#Plano de saúde

tabpct(hi,plano) #prevalência
chisq.test(hi,plano)#X2

#Teste Papanicolaou

tabpct(hi,papa) #prevalência
chisq.test(hi,papa) #X2

#Exame de mama

tabpct(hi,mama) #prevalência
chisq.test(hi,mama) #X2

#Idade da menarca

tabpct(hi,mencat) #prevalência
chisq.test(hi,mencat) #X2

#Número de filhos

tabpct(hi,filho) #prevalência
chisq.test(hi,filho)#X2

#Contraceptivo oral

tabpct(hi,co) #prevalência
chisq.test(hi,co) #X2

```
#####
#####Prevalências de mioma uterino estratificados por idade nos subgrupos#####
#####e respectivos testes #####
##Idade dicotômica
#Nome da variável nas análises= idadecat1
#Categorias= menos de 45 anos= 0, 45 anos ou mais= 1
summary(idadeind)
idadecat1<-ifelse(idadeind<45,0,ifelse(idadeind>=45,1,NA))
tab1(idadecat1)

#Cor/raça
tabpct(mio[idadecat1==0],raca[idadecat1==0]) #prevalência
tabpct(mio[idadecat1==1],raca[idadecat1==1]) #prevalência
chisq.test(mio[idadecat1==0],raca[idadecat1==0]) #X2
chisq.test(mio[idadecat1==1],raca[idadecat1==1]) #X2

#Escolaridade
tabpct(mio[idadecat1==0],esc[idadecat1==0]) #prevalência
tabpct(mio[idadecat1==1],esc[idadecat1==1]) #prevalência
chisq.test(mio[idadecat1==0],esc[idadecat1==0]) #X2
chisq.test(mio[idadecat1==1],esc[idadecat1==1]) #X2

#Renda
tabpct(mio[idadecat1==0],rend[idadecat1==0]) #prevalência
tabpct(mio[idadecat1==1],rend[idadecat1==1]) #prevalência
chisq.test(mio[idadecat1==0],rend[idadecat1==0])#X2
chisq.test(mio[idadecat1==1],rend[idadecat1==1])#X2

#Plano de saúde
tabpct(mio[idadecat1==0],plano[idadecat1==0]) #prevalência
tabpct(mio[idadecat1==1],plano[idadecat1==1]) #prevalência
chisq.test(mio[idadecat1==0],plano[idadecat1==0]) #X2
chisq.test(mio[idadecat1==1],plano[idadecat1==1]) #X2

#Teste Papanicolaou
tabpct(mio[idadecat1==0],papa[idadecat1==0]) #prevalência
tabpct(mio[idadecat1==1],papa[idadecat1==1]) #prevalência
chisq.test(mio[idadecat1==0],papa[idadecat1==0]) #X2
chisq.test(mio[idadecat1==1],papa[idadecat1==1]) #X2

#Exame de mama
tabpct(mio[idadecat1==0],mama[idadecat1==0]) #prevalência
tabpct(mio[idadecat1==1],mama[idadecat1==1]) #prevalência
chisq.test(mio[idadecat1==0],mama[idadecat1==0]) #X2
chisq.test(mio[idadecat1==1],mama[idadecat1==1]) #X2

#Idade da menarca
tabpct(mio[idadecat1==0],mencat[idadecat1==0]) #prevalência
tabpct(mio[idadecat1==1],mencat[idadecat1==1]) #prevalência
chisq.test(mio[idadecat1==0],mencat[idadecat1==0]) #X2
chisq.test(mio[idadecat1==1],mencat[idadecat1==1]) #X2

#Número de filhos
tabpct(mio[idadecat1==0],filho[idadecat1==0]) #prevalência
tabpct(mio[idadecat1==1],filho[idadecat1==1]) #prevalência
chisq.test(mio[idadecat1==0],filho[idadecat1==0]) #X2
chisq.test(mio[idadecat1==1],filho[idadecat1==1]) #X2

#Contraceptivo oral
tabpct(mio[idadecat1==0],co[idadecat1==0]) #prevalência
tabpct(mio[idadecat1==1],co[idadecat1==1]) #prevalência
chisq.test(mio[idadecat1==0],co[idadecat1==0]) #X2
chisq.test(mio[idadecat1==1],co[idadecat1==1]) #X2

#####Prevalências de mioma uterino com sintomas prévios ao diagnóstico #####
#####estratificados por idade nos subgrupos e respectivos testes #####
```